



WETENSCHAPPELIJK INSTITUUT
VOLKSGEZONDHEID

INSTITUT SCIENTIFIQUE
DE SANTÉ PUBLIQUE

Institut Scientifique de Santé Publique

Service Qualité des laboratoires médicaux

MANUEL D'UTILISATION DU TOOLKIT POUR LES ENQUÊTES MICROBIOLOGIE

Manuel d'utilisation du Toolkit pour les enquêtes microbiologie

Se connecter d'abord au Toolkit: il y a deux manières pour ce faire:

- par le site web du service de Qualité des laboratoires médicaux (https://www.wiv-isp.be/QML/index_fr.htm); ensuite sélectionner « TOOLKIT BIOLOGIE CLINIQUE » dans la colonne de gauche
- ou directement: <https://biocli.wiv-isp.be/toolkit/login/login.cfm>

Choisir "Go to Quality Control for Microbiology" (Fig. 1).

Login Menu

Ter gelegenheid van de nieuwe surveys, gelieve uw paswoord te wijzigen
A l'occasion du nouveau cycle d'enquêtes, veuillez changer votre mot de passe

Lab Identification (WIV-ISP)

Password

SUBMIT

Go to Quality Control for Microbiology

Go to Glycated hemoglobin (HbA1c)

Nederlands ☐ Français ☐

TRACE ELEMENTS

European Reference Laboratory (ERL)

POCT (GLUCOSE)

Go to Quality Control for Molecular Diagnostics in Microbiology (QCMD)

Go to Quality Control for Flow cytometry / CD34

Pre-analytical practices on routine coagulation testing

Fig. 1

A la page suivante introduire votre « Numéro de labo » et « Mot de passe » (Fig. 2). Vous pouvez retrouver votre numéro de labo sur toute correspondance personnalisée que nous vous envoyons; le mot de passe est le même que celui que vous utilisez dans les autres programmes EEQ (p.ex. parasitologie, hématologie, chimie,...). Si vous ne connaissez pas ce mot de passe, vous pouvez le demander soit à votre directeur de labo (qui a reçu il y a quelques années une lettre mentionnant ce mot de passe) soit à vos collègues d'autres programmes EEQ ou envoyer une demande par e-mail à EQAtoolkit@wiv-isp.be après quoi nous vous enverrons en retour un e-mail qui reprendra le mot de passe de votre laboratoire.

Ensuite vous cliquez sur l'icône à côté de ces chiffres  ("Connexion/Inloggen") (Fig. 2).



EQA Toolkit.Net
Connexion/Inloggen

v10/12/2014

Pour vous garantir l'utilisation du Toolkit.Net, veuillez utiliser le navigateur Microsoft Internet Explorer. Vous pouvez le télécharger [ici](#).

Om het goede gebruik van Toolkit.net te garanderen, gelieve de browser Microsoft Internet Explorer te gebruiken. U kan deze [hier](#) downloaden.

Numéro labo/Labonummer:

Mot de passe/Wachtwoord:



If you have any questions, queries or comments regarding the EQA Toolkit please contact IPH. Website : [IPH - WIV - ISP](#)

Please direct any technical questions regarding this web site to [IPH Helpdesk](#)

Fig. 2

A la page suivante choisir « Entrer résultats » (Fig. 3).



EQA Toolkit.Net

ER NL

Logout 11111 v12/11/2013

Entrer Résultats

Imprimer Résultats

Rapport individuel

Rapport PzPu

Bienvenue sur le site web de la QUALITE DES LABORATOIRES MEDICAUX.

Si vous avez des questions, demandes ou commentaires concernant le Toolkit EQE, contactez l'ISP. Site web : [IPH - WIV - ISP](#)

Pour toute question technique concernant le site web du service QUALITE DES LABORATOIRES MEDICAUX [Helpdesk](#)

Fig. 3

A la page suivante (Fig. 4), vous pouvez choisir, à l'aide des listes déroulantes : le programme EEQ (= « Groupe », dans le cas échéant, la « MICROBIOLOGIE »), l'enquête et l'échantillon. Le plus simple est de choisir « Tous les échantillons », mais vous pouvez choisir chaque échantillon séparément si vous le souhaitez. Après avoir fait votre choix, vous cliquez sur l'icône  («Soumettre»).



Fig. 4

Vous accédez maintenant à l'échantillon choisi (Fig. 5). En haut de page : remplir la « Date de réception » de l'échantillon. S'il y a plusieurs échantillons par enquête, vous ne devez introduire ces données qu'une fois; le système les enregistre et les fait apparaître automatiquement pour les échantillons suivants. Vous pouvez également prendre connaissance de la date de clôture de l'enquête.

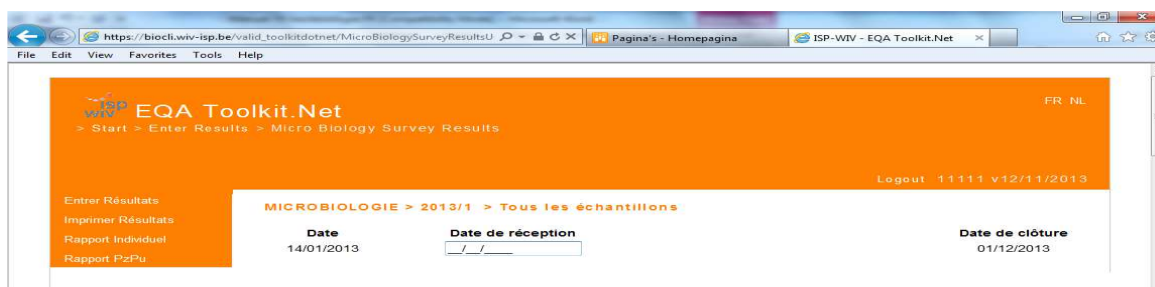


Fig. 5

Vous pouvez maintenant introduire les résultats par échantillon (l'information clinique est également reprise) (Fig. 6).

Il vous est d'abord demandé d'introduire votre méthode d'identification par germe à l'aide d'une liste déroulante (Fig. 6).

M/00001 (hémoculture)

patient avec hémoculture positive

Germe #1

Technique utilisée pour l'identification

Pas d'application
Méthodes classiques
Vitek 2 (compact)
Phoenix
MicroScan
Micronaut System
Maldi-Tof
Autre (veuillez préciser dans le texte libre)

Fig. 6

Si vous avez utilisé plusieurs techniques pour l'identification d'un germe donné, vous pouvez choisir « Autre » et le préciser dans le texte libre (Fig. 6).

Pour introduire l'interprétation proprement dite, vous pouvez faire votre choix à partir d'une liste qui reprend plusieurs possibilités; il suffit de cocher la réponse de votre choix (Fig. 7).

M/00001 (hémoculture)

patient avec hémoculture positive

Germe #1

Technique utilisée pour l'identification

Méthodes classiques

Identification?

☐ Pas de croissance

☐ Sous traitée

☐ Absence de pathogènes

☐ Présence de commensaux

☐ Identification partielle

☐ Identification complète

☐ Autre

Si identification partielle?

☐ Pas de croissance

☐ Gram + coques

☐ Gram - coques

☐ Gram + bacilles

☐ Gram - bacilles

☐ Gram - bacilles, non fermentants

☐ Gram - bacilles, groupe HACEK

☐ Anaérobies

☐ Moisissure

☐ Levure

☐ Autre

Si identification complète?

Genre:

Espèce:

Sous-espèce:

Fig. 7

Si vous choisissez les options « Pas de croissance », « Sous-traitée », « Absence de pathogènes », « Présence de commensaux » ou « Autre », les sous-options sous-jacentes pour « Identification partielle » ou « Identification complète » restent grises (il vous est donc impossible de les cocher). Si vous choisissez « Autre », nous vous demandons de le préciser dans le texte libre en bas de page. Si vous choisissez l'option « Identification partielle », vous pourrez cocher votre choix dans la liste (les sous-options deviennent noir à la place de gris) (Fig. 8).

M/00001 (hémoculture)

patient avec hémoculture positive

Germe #1

Technique utilisée pour l'identification

Méthodes classiques ▼

Identification?

- ☐ Pas de croissance
- ☐ Sous traitée
- ☐ Absence de pathogènes
- ☐ Présence de commensaux
- ☒ Identification partielle
- ☐ Identification complète
- ☐ Autre

Si identification partielle?

- ☐ Pas de croissance
- ☐ Gram + coques
- ☐ Gram - coques
- ☐ Gram + bacilles
- ☐ Gram - bacilles
- ☐ Gram - bacilles, non fermentants
- ☐ Gram - bacilles, groupe HACEK
- ☐ Anaérobies
- ☐ Moisissure
- ☐ Levure
- ☐ Autre

Fig. 8

Si vous choisissez l'option « Identification complète », vous pourrez introduire le « Genre », l'« Espèce » et la « Sous-espèce » éventuelle (Fig. 9).

Germe #1

Technique utilisée pour l'identification

Méthodes classiques ▼

Identification?

- ☐ Pas de croissance
- ☐ Sous traitée
- ☐ Absence de pathogènes
- ☐ Présence de commensaux
- ☐ Identification partielle
- ☒ Identification complète
- ☐ Autre

Si identification partielle?

- ☐ Pas de croissance
- ☐ Gram + coques
- ☐ Gram - coques
- ☐ Gram + bacilles
- ☐ Gram - bacilles
- ☐ Gram - bacilles, non fermentants
- ☐ Gram - bacilles, groupe HACEK
- ☐ Anaérobies
- ☐ Moisissure
- ☐ Levure
- ☐ Autre

Si identification complète?

Genre:

Espèce: ▼

Sous-espèce: ▼

Fig. 9

Ceci s'effectue sur base de listes déroulantes: la liste s'ouvre dès que vous introduisez une lettre; plus grand le nombre de lettres vous introduisez, plus petite devient la liste (Fig. 10, Fig. 11).

Si identification complète?

Genre:

Espèce: ▼

Sous-espèce: ▼

Envoyez

☐ N

☒ O

Si oui

☒ de

☐ p

☐ p

Réinitialiser

- XANTHOBACTER
- XANTHOMONAS
- XENOPHILUS
- XENORHABDUS
- XYLANIBACTERIUM
- XYLANIMICROBIUM
- XYLANIMONAS
- XYLELLA
- XYLOPHILUS
- XYNOPHILA

routine à un autre laboratoire (de référence) ?

AB

Fig. 10

Si identification complète?

Genre: XY Espèce: Sous-espèce:

Envoyez: ☒ N ☐ O routine à un autre laboratoire (de référence) ?

Si oui: ☒ da

XYLANIBACTERIUM
XYLANIMICROBIUM
XYLANIMONAS
XYLELLA
XYLOPHILUS
XYNOPHILA

Fig. 11

Après que vous ayez introduit le « Genre », il vous est possible d'introduire de la même façon l'« Espèce » et la « Sous-espèce » éventuelle. Il existe également la possibilité de répondre « species » (Fig. 12).

☒ Identification complète
☐ Autre

Si identification partielle?

☐ Pas de croissance
☐ Gram + coques
☐ Gram - coques
☐ Gram + bacilles
☐ Gram - bacilles
☐ Gram - bacilles, non fermentants
☐ Gram - bacilles, groupe HACEK
☐ Anaérobies
☐ Moisissure
☐ Levure
☐ Autre

Si identification complète?

Genre: AEROMONAS Espèce: Sous-espèce:

allosaccharophila
bestiarum
caviae
culicicola
encheleia
enteropelogenes
eucrenophila
hydrophila
ichthiosmia
jandaei
media
molluscorum
popoffii
punctata
salmonicida
schubertii
simiae
sobria
species
trota
veronii

Fig. 12

Pour certains genres nous avons également prévu des espèces inexistantes, mais qui sont des termes couramment utilisés tels que, "Coagulase negative *staphylococcus*" (Anglais), "*Candida* non-albicans" ou "*Clostridium* non-difficile".

Nous avons également prévu quelques cas spéciaux:

- 1) pour les *Streptococcus* species, il existe la possibilité de répondre le « Séro groupe » (Fig. 13).

☐ Absence de pathogènes
☐ Présence de commensaux
☐ Identification partielle
☒ Identification complète
☐ Autre

Si identification partielle?

☐ Pas de croissance
☐ Gram + coques
☐ Gram - coques
☐ Gram + bacilles
☐ Gram - bacilles
☐ Gram - bacilles, non fermentants
☐ Gram - bacilles, groupe HACEK
☐ Anaérobies
☐ Moisissure
☐ Levure
☐ Autre

Si identification complète?

Genre: Espèce:

Séro groupe:

A
B
C
D
E
F
G
H
I
J
K
L
M
N
O
P
Q
R
S
T
U
V
W
X
Y
Z
not groupable

Fig. 13

- 2) idem pour la *Neisseria meningitidis* (Fig. 14).

Si identification complète?

Genre: Espèce:

Sous-espèce:

Séro groupe:

Envoyez-vous une telle souche en routine à un autre laboratoire (de référence) ?

☒ Non
☐ Oui

Si oui

☐ dans un but épidémiologique
☐ pour confirmation de l'ID et/ou l'AB
☐ pour d'autres raisons

A
B
C
D
H
I
K
L
X
Y
Z
W135
29E

Fig. 14

- 3) et pour l'*Haemophilus influenzae* (Fig. 15).

Si identification complète?

Genre: Espèce:

Sous-espèce:

Sérogroupe:

Envoyez-vous une telle souche en routine à un autre laboratoire (de référence) ?

☒ Non

☐ Oui

Si oui

☐ dans un but épidémiologique

☐ pour confirmation de l'ID et/ou l'AB

☐ pour d'autres raisons

Fig. 15

- 4) Pour les *Salmonella* nous n'avons retenu que les groupes A à F, les autres groupes sont regroupés sous « Other ». Vous pouvez choisir avec quels groupes vous avez effectué une agglutination et si elle était positive ou négative. Dans l'exemple ci-dessous nous avons choisi une agglutination avec A ou E mais pas avec B ou F. Les boutons ☒ ou ☒ vous permettent d'introduire que toutes les agglutinations testées étaient respectivement positives ou négatives. Le bouton avec les 2 flèches vous permet de faire un « reset » (Fig. 16).

Si identification complète?

Genre: Espèce:

Sous-espèce:

A B C D E F Other

☒ ☐ ☐ ☐ ☒ ☐ ☐

☒ ☐ ☐ ☐ ☐ ☐ ☐

A or E and not B or F

Fig. 16

- 5) Si l'échantillon est originaire des selles, la possibilité existe pour répondre les *E. coli* pathogènes (Fig. 17).

Si identification complète?

Genre: Espèce:

Sous-espèce:

Sérogroupe:

Serotype:

Fig. 17

Après la sélection du « Séroroupe », il vous est possible d'introduire le « Sérotype » (Fig. 18).

☐ Gram + coques
☐ Gram - coques
☐ Gram + bacilles
☐ Gram - bacilles
☐ Gram - bacilles, non fermentants
☐ Gram - bacilles, groupe HACEK
☐ Anaérobies
☐ Moisissure
☐ Levure
☐ Autre

Si identification complète?

Genre: Espèce: Séroroupe: Sérotype:

Fig. 18

- 6) Si l'échantillon concerne la recherche de *Clostridium difficile*, il vous est également demandé d'introduire le résultat des toxines (Fig. 19).

Si identification complète?

Genre: Espèce: Toxine:

Fabricant Trousse

Fig. 19

En plus du résultat de la détection de la toxine, nous vous demandons également d'introduire le « Fabricant » et la « Trousse » que vous utilisez; vous choisissez d'abord le « Fabricant » (Fig. 20):

☐ Gram + bacilles
☐ Gram - bacilles
☐ Gram - bacilles, non fermentants
☐ Gram - bacilles, groupe HACEK
☐ Anaérobies
☐ Moisissure
☐ Levure
☐ Autre

Si identification complète?

Genre: Espèce: Fabricant:

Fig. 20

et puis vous pouvez choisir par fabricant la « Trousse » (Fig. 21).

Si identification complète?

Genre: Espèce: Toxine:

Fabricant Trousse

Fig. 21

Si vous ne retrouvez pas votre fabricant et/ou trousse dans les listes déroulantes, vous pouvez répondre « Other »; dans ce cas nous vous demandons de préciser ce « Other » dans le texte libre (Fig. 21).

Si vous utilisez plus d'une méthode pour la détection de la toxine, vous pouvez l'ajouter par le bouton  (Fig. 22).

Si identification complète?

Genre: Espèce: Toxine:

Fabricant Trousse

Fig. 22

Il vous est maintenant possible d'introduire un deuxième fabricant et trousse (Fig. 23).

Si identification complète?

Genre: Espèce: Toxine:

Fabricant Trousse

Fabricant Trousse

Fig. 23

Vous pouvez ajouter plusieurs méthodes. Si après réflexion, vous ne souhaitez quand-même pas mentionner une méthode, vous pouvez la supprimer à l'aide du bouton avec la poubelle  (Fig. 24).

Si identification complète?

Genre: Espèce: Toxine:

Fabricant Trousse

Fabricant Trousse

Fig. 24

Si vous identifiez plus d'un germe dans un échantillon, le bouton  (« Ajouter germe ») (en haut à droite à côté du numéro d'échantillon) vous permet d'ajouter un 2^e germe (Fig. 25).

M/7117 (Selles)

Fig. 25

Ajouter
germe : 

Maintenant apparaît « Germe 2 », que vous pouvez répondre de la même façon que le 1^e germe. Si après réflexion, vous ne souhaitez pas répondre ce germe, vous pouvez le supprimer à l'aide du bouton  (« Supprimer germe ») (en haut à droite à côté de « Germe 2 ») (Fig. 26).

Germe #2

Supprimer
germe : 

Technique utilisée pour l'identification

Identification?

- ☐ Pas de croissance
- ☐ Sous traitée
- ☐ Absence de pathogènes
- ☐ Présence de commensaux
- ☒ Identification partielle
- ☐ Identification complète
- ☐ Autre

Si identification partielle?

- ☐ Pas de croissance
- ☐ Gram + coques
- ☐ Gram - coques
- ☐ Gram + bacilles
- ☐ Gram - bacilles
- ☐ Gram - bacilles, non fermentants
- ☐ Gram - bacilles, groupe HACEK
- ☐ Anaérobies
- ☐ Moisissure
- ☐ Levure
- ☐ Autre

Si identification complète?

Genre:

Espèce:

Sous-espèce:

Fig. 26

De la même façon vous pouvez ajouter un 3^e, 4^e, ... germe.

Ensuite nous vous demandons de répondre à la question de savoir si en routine vous enverriez un tel échantillon à un autre laboratoire (de référence). Au cas où vous répondriez « Oui », vous devez également indiquer la raison. Vous pouvez cocher plusieurs options; si vous cochez « Pour d'autres raisons » nous vous demandons de le préciser dans le texte libre (Fig. 27).

Envoyez-vous une telle souche en routine à un autre laboratoire (de référence) ?

☒ Non

☐ Oui

Si oui

☐ dans un but épidémiologique

☐ pour confirmation de l'ID et/ou l'AB

☐ pour d'autres raisons

Fig. 27

Vous pouvez maintenant introduire les résultats des autres échantillons de l'envoi de la même manière.

Vous pouvez à tout moment réinitialiser vos résultats pour un échantillon donné à l'aide du bouton avec les 2 flèches (Fig. 28).

Réinitialiser échantillon : 

Fig. 28

Si des frottis font partie de l'EEQ, ils sont repris sur cette même page:

- s'il s'agit d'une coloration de Gram, vous trouverez les différentes options de réponse dans une liste où vous pouvez indiquer votre réponse (Fig. 29).

Code réponse:

Coques à Gram positif
Coques à Gram négatif
Coques à Gram variable
Bacilles à Gram positif
Bacilles à Gram négatif
Bacilles à Gram variable
Levures
Absence de germes

Fig. 29

- s'il s'agit de frottis d'une coloration acido-résistante, vous devez introduire aussi bien la (les) méthode(s) utilisée(s) que les résultats (Fig. 30).

Lames

Code méthode:

Méthode acido-alcool-résistante: Ziehl-Neelsen
Méthode acido-alcool-résistante: Ziehl-Neelsen à froid (Kinyoun)
Méthode acido-alcool-résistante: Tan-Tam-Hok
Méthode acido-alcool-résistante: autre (veuillez spécifier dans le texte libre)
Méthode de fluorescence: Auramine
Méthode de fluorescence: Acridine
Méthode de fluorescence: autre (veuillez spécifier dans le texte libre)
Autre (veuillez spécifier dans le texte libre)

M/11963

Code réponse:

Négatif
Positif 1 + : 1 - 2 bacilles/champs
Positif 2 + : 3 - 10 bacilles/champs
Positif 3 + : > 10 bacilles/champs

Fig. 30

Si vous n'avez pas analysé les frottis acido-résistants dans votre laboratoire, vous pouvez évidemment laisser ouvert ces champs.

En cliquant sur la touche Ctrl au moment d'introduire vos réponses, il est possible de donner plusieurs réponses en même temps pour les frottis. Vous pouvez de cette façon également décocher des résultats.

Le texte libre en dessous de « Commentaire » vous permet d'introduire des remarques, éclaircissements,... concernant les identifications dans leur totalité.

Après avoir répondu à toutes les questions concernant les identifications, cliquer sur le bouton avec la flèche  (« Soumettre et aller aux antibiogrammes ») pour passer à la page suivante et introduire les résultats des antibiogrammes (Fig. 31).

Soumettre et aller aux antibiogrammes :



Fig. 31

Si vous souhaitez effectuer des modifications à vos identifications, il vous est possible de retourner à cette page grâce au bouton  (« Retour aux identifications ») (Fig. 32). Remarquez que si vous avez déjà introduit des résultats pour les antibiogrammes, il faut d'abord cliquer sur  ("Soumettre") avant de retourner, sinon ces réponses ne seront pas enregistrées.

Retour aux identifications (*) :



Fig. 32

***L'antibiogramme ne sera enregistré qu'après avoir cliqué sur soumettre.**

Vous pouvez maintenant introduire les résultats des antibiogrammes. La page est 'ouverte' sur le premier antibiotique de la liste pour le premier échantillon (Fig. 33).

Pénicillines > Pipéracilline-tazobactam

Ajouter méthode : 

Tests de diffusion

Information	Resultat
Charge :	Diamètre :
Méthode :	Brut :
Directive :	Expert :
Année :	Final :

Détermination de la CMI

Information	Resultat
Méthode :	Détermination de la CMI :
Directive :	Brut :
Année :	Expert :
Lot number :	Final :

Soumettre : 

Fig. 33

Vous pouvez introduire un résultat pour les « Tests de diffusion », la « Détermination de la CMI » ou les deux. Veuillez noter que si vous introduisez une réponse pour un des éléments d'un des deux principes de détermination pour un antibiotique donné, vous serez obligé de répondre à tous les éléments de ce principe (Fig. 34, Fig. 35) (à l'exception de la case « Expert » ; ceci vous pouvez éventuellement le laisser ouvert). Il existe quelques exceptions : 1) la méthode « *Cette souche est envoyée à un autre laboratoire et/ou centre de référence* » où vous ne pouvez évidemment pas fournir de résultats et donc vous pouvez laisser ouvert toutes les autres cases et 2) la méthode « *Vancoscreen agar* » et la méthode « *Milieu de dépistage pour l'oxacilline ou la méthicilline* » pour lesquels il vous est évidemment impossible d'introduire une « Charge » et un « Diamètre ».

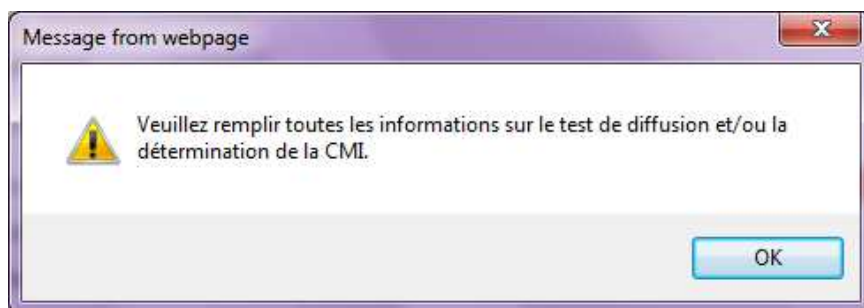


Fig. 34

Pénicillines > Pipéracilline-tazobactam

Ajouter méthode : 

Tests de diffusion

Information	Resultat
Charge: 12	Diamètre: = 
Méthode: 	Brut: 
Directive: 	Expert: 
Année: 	Final: 

Détermination de la CMI

Information	Resultat
Méthode: 	Détermination de la CMI: = 
Directive: 	Brut: 
Année: 	Expert: 
Lot number:	Final: 
Soumettre: 	

Fig. 35

La « Méthode », la « Directive », l'« Année » (de la directive) et le résultat « Brut », « Expert » et « Final » peuvent tous être introduits à l'aide de listes déroulantes.

La figure ci-dessous montre l'exemple des méthodes de « Tests de diffusion ». Si vous utilisez une combinaison de plusieurs directives, vous pouvez répondre « Autre » et le préciser dans le texte libre (Fig. 36).

Tests de diffusion

Information	Resultat
Charge: 12	Diamètre
Méthode: Disques en papier: i2a 	Brut:
Directive:	
Année:	

Détermination de la CMI

Information	Resultat
Méthode:	
Directive:	
Année:	
Lot number:	
Soumettre: 	

Disques en papier: Becton Dickinson
 Disques en papier: Oxoid
 Disques en papier: Biorad
 Disques en papier: i2a
 Disques en papier: Autre (veuillez remplir le nom dans le texte libre)
 Tablettes Rosco: charge classique (Neosensitabs) ("old")
 Tablettes Rosco: charge nouvelle ("new") (tubes avec ressort)
 Sirscan: tablettes Rosco: charge classique (Neosensitabs) ("old")
 Sirscan: tablettes Rosco: charge nouvelle ("new") (tubes avec ressort)
 Sirscan: disques en papier (i2a)
 Osiris
 Adagio
 Vancoscreen agar
 Milieux de dépistage pour l'oxacilline ou la méthicilline (remplir milieu et fabricant: texte libre)
 Autre (veuillez remplir la méthode dans le texte libre)
 Cette souche est envoyée à un autre laboratoire et/ou un centre de référence

Fig. 36

Les cases à côté de « Diamètre » et « Détermination de la CMI » vous permettent de choisir les opérateurs : =, <, >, ≤ et ≥ (Fig. 37).

Figure 37 shows two dropdown menus. The first menu, labeled 'Resultat Diamètre', has a selected option '='. The second menu, labeled 'Resultat Détermination de la CMI:', has a selected option '<'. Both menus show the following options: '=', '<', '>', '≤', and '≥'.

Fig. 37

Dans les cases pour la « Charge », le « Diamètre » et la « Détermination de la CMI » vous devez introduire des valeurs numériques; à l'exception pour les appareils qui disposent d'une méthode de dépistage (« screening ») pour la céfoxitine; dans ce cas nous ne vous demandons pas de répondre une valeur quantitative ; dans la case « Détermination de la CMI » vous devez remplir le résultat du dépistage (S, I ou R) (Fig. 38).

Figure 38 shows a screenshot of a software interface for 'Céphalosporines 2e génération > Céfoxitine'. It contains two main sections: 'Tests de diffusion' and 'Détermination de la CMI'. Each section has an 'Information' column and a 'Resultat' column. In the 'Tests de diffusion' section, the 'Méthode' is set to 'Vitek 2'. In the 'Détermination de la CMI' section, the 'Méthode' is also 'Vitek 2' and the 'Lot number' field is present. The 'Resultat' columns show dropdown menus for selecting operators and values.

Fig. 38

Si vous désirez introduire pour ce même antibiotique les résultats d'une deuxième méthode de « Tests de diffusion » et de « Détermination de la CMI », ou si vous avez mis en évidence un germe avec un autre phénotype antibiotique, vous pouvez cliquer sur l'icône  (« Ajouter méthode ») (Fig. 39) et il s'ouvre un deuxième champ pour répondre les résultats des méthodes de diffusion et CMI (Fig. 40).

Figure 39 shows a screenshot of a software interface for 'Pénicillines > Pipéracilline-tazobactam'. It features a section titled 'Ajouter méthode' with a plus icon.

Fig. 39

Ajouter
méthode :



Tests de diffusion

Information

Charge 12

Méthode Disques en papier: Becton Dickinson

Directive: SFM

Année: 2027

Resultat

Diamètre 12

Brut: S

Expert:

Final: S

Détermination de la CMI

Information

Méthode:

Directive:

Année:

Lot number:

Resultat

Détermination de la CMI:

Brut:

Expert:

Final:

Supprimer méthode :



Tests de diffusion

Information

Charge

Méthode

Directive:

Année:

Resultat

Diamètre

Brut:

Expert:

Final:

Détermination de la CMI

Information

Resultat

Fig. 40

Si après réflexion, vous ne souhaitez quand-même pas de répondre une 2^e méthode, vous pouvez le supprimer à l'aide du bouton avec la poubelle (« Supprimer méthode ») (Fig. 40).

Le bouton (« Ajouter méthode ») vous permet également d'introduire une 3^e, 4^e,...méthode (Fig. 40).

Après avoir introduit vos résultats pour le 1^e AB, cliquez sur le deuxième (Fig. 41).

Pénicillines > Pipéracilline-tazobactam

Ajouter méthode : 

Tests de diffusion

Information

Charge : 12

Méthode : Disques en papier: Becton Dickinson

Directive : SFM

Année : 2027

Resultat

Diamètre : = 12

Brut : S

Expert :

Final : S

Détermination de la CMI

Information

Méthode :

Directive :

Année :

Lot number :

Soumettre : 

Resultat

Détermination de la CMI : =

Brut :

Expert :

Final :

Céphalosporines 3e génération > Ceftazidime

Fig. 41

Le 1^e AB se ferme et le 2^e s'ouvre (Fig. 42).

Pénicillines > Pipéracilline-tazobactam

Céphalosporines 3e génération > Ceftazidime

Ajouter méthode : Reprendre les données générales de l'AB précédent : 

Tests de diffusion

Information

Charge :

Méthode :

Directive :

Année :

Resultat

Diamètre : =

Brut :

Expert :

Final :

Détermination de la CMI

Information

Méthode :

Directive :

Année :

Lot number :

Soumettre : 

Resultat

Détermination de la CMI : =

Brut :

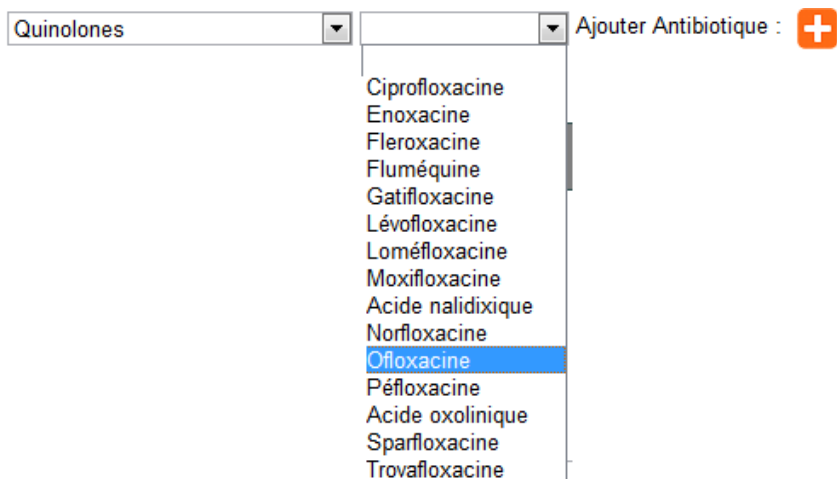
Expert :

Final :

Fig. 42

De la même façon que le 1^e AB vous pouvez maintenant introduire le 2^e AB, puis les AB suivants. Si vous ne testez pas certains antibiotiques en routine, vous pouvez ne pas les compléter.

Parfois nous vous demandons de tester certaines classes d'antibiotique(s) que vous testez en routine. Dans ce cas cette classe est reprise sans la liste des AB à tester. Cliquer sur la case à côté de cette classe, indiquer l'antibiotique voulu dans la liste déroulante et cliquer sur  (« Ajouter antibiotique ») (Fig. 43). L'antibiotique sélectionné s'ouvre alors de la même façon que les autres antibiotiques. Les figures ci-dessous montrent l'exemple pour les « Quinolones » avec l'« Ofloxacin » comme AB de choix (Fig. 43, Fig. 44).

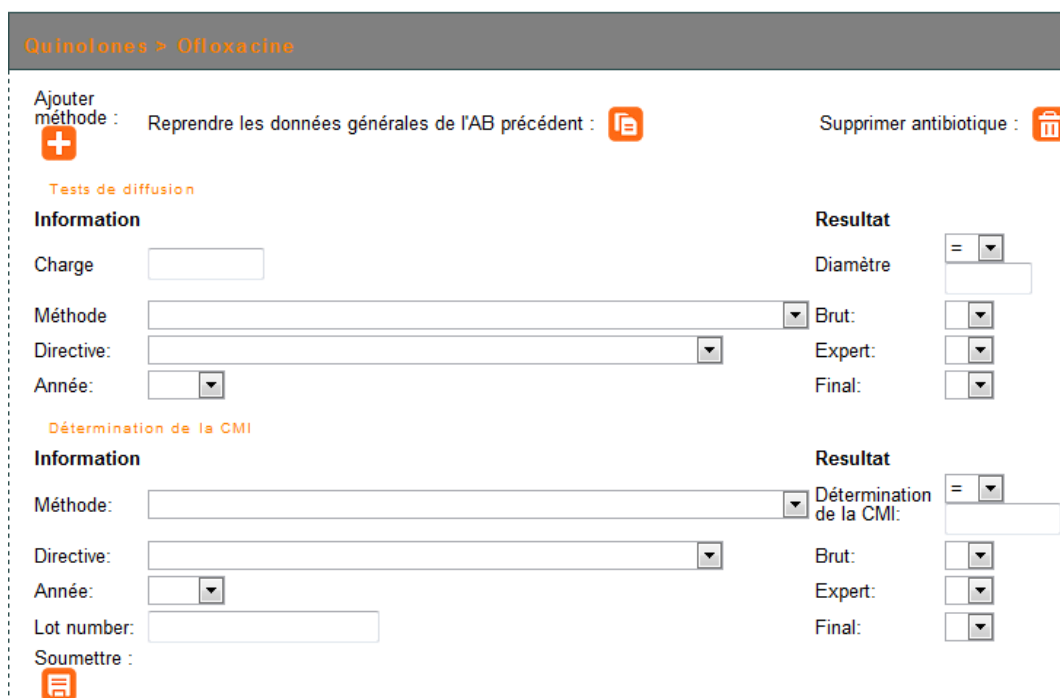


Quinolones

Ajouter Antibiotique : 

- Ciprofloxacine
- Enoxacine
- Fleroxacine
- Fluméquine
- Gatifloxacine
- Lévofloxacine
- Loméfloxacine
- Moxifloxacine
- Acide nalidixique
- Norfloxacine
- Ofloxacin**
- Péfloxacine
- Acide oxolinique
- Sparfloxacine
- Trovafloxacine

Fig. 43



Quinolones > Ofloxacin

Ajouter méthode :  Reprendre les données générales de l'AB précédent :  Supprimer antibiotique : 

Tests de diffusion

Information	Resultat
Charge	Diamètre
Méthode	Brut:
Directive:	Expert:
Année:	Final:

Détermination de la CMI

Information	Resultat
Méthode:	Détermination de la CMI:
Directive:	Brut:
Année:	Expert:
Lot number:	Final:

Soumettre : 

Fig. 44

Vous pouvez évidemment tester plusieurs AB de la classe proposée.

Si vous le souhaitez, il vous est possible de tester et de répondre d'autres AB, que nous n'avons pas proposés. A cette fin il suffit de cliquer sur la dernière case en bas de l'échantillon (Fig. 45); une liste déroulante avec toutes les classes d'antibiotiques s'ouvre. Après le choix de la classe; (les « Lincosamides » dans l'exemple (Fig. 45)), vous choisissez l'antibiotique (la « Clindamycine » dans l'exemple (Fig. 46)), vous cliquez sur l'icône  (« Ajouter antibiotique ») et tout s'effectue de la même manière que pour les autres antibiotiques.

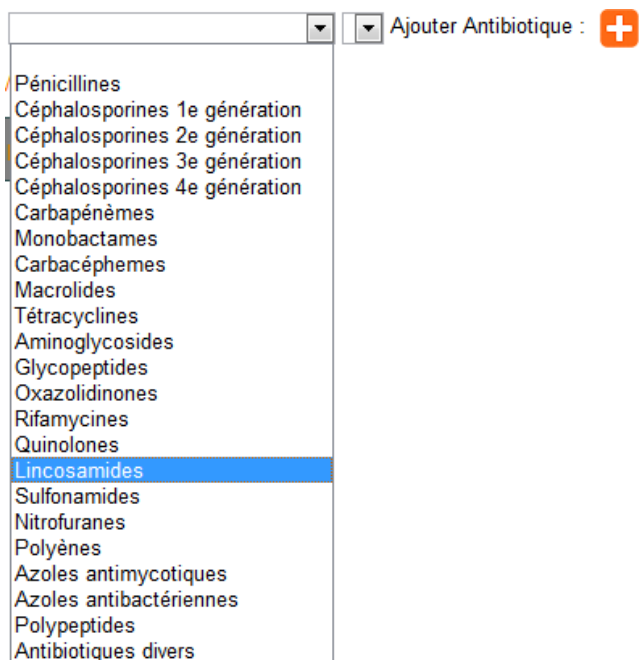


Fig. 45

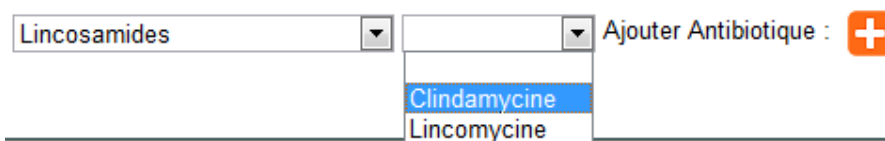


Fig. 46

Le bouton avec la poubelle  (« Supprimer antibiotique ») vous permet à tout moment d'enlever les antibiotiques que vous avez ajoutés (Fig. 44, Fig. 47).

Supprimer antibiotique : 

Fig. 47

De cette façon vous pouvez introduire les résultats des antibiogrammes pour tous les échantillons pour lesquels ils ont été demandés.

Le bouton  (« Reprendre les données générales de l'AB précédent ») (disponible à partir du 2^e antibiotique par échantillon) vous permet de transférer les données 'générales' du dernier antibiotique que vous avez introduit au suivant. Pour les « Tests de diffusion » il s'agit de la « Méthode », la « Directive » et l'« Année »; pour les « Déterminations de la CMI » de la « Méthode », la « Directive », l'« Année » et le « Numéro de lot » (Fig. 44, Fig. 48).

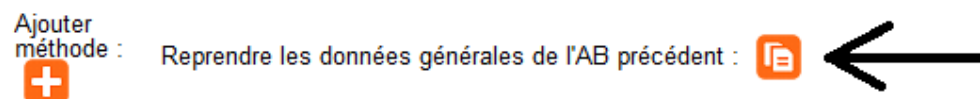


Fig. 48

Le bouton  (« Soumettre ») après chaque antibiotique vous permet d'effectuer des sauvegardes intermédiaires. Vous ne devez évidemment pas effectuer un sauvegarde après chaque antibiotique individuel, mais nous vous conseillons de le faire de temps en temps étant donné que le rapportage des résultats des antibiotiques est assez considérable et qu'il peut toujours se produire un problème qui cause la perte de votre connexion à l'internet; si vous n'avez pas effectué de sauvegarde intermédiaire vous perdez à ce moment toutes vos données et vous devez recommencer dès le début.

Après l'introduction de tous vos résultats, vous devez de toute façon cliquer une dernière fois sur le bouton  (« Soumettre ») afin de sauvegarder toutes vos données.

Après avoir introduits tous vos résultats, il vous est possible de les imprimer; pour ce faire vous choisissez « Imprimer résultats » à la page d'accueil (Fig. 49).

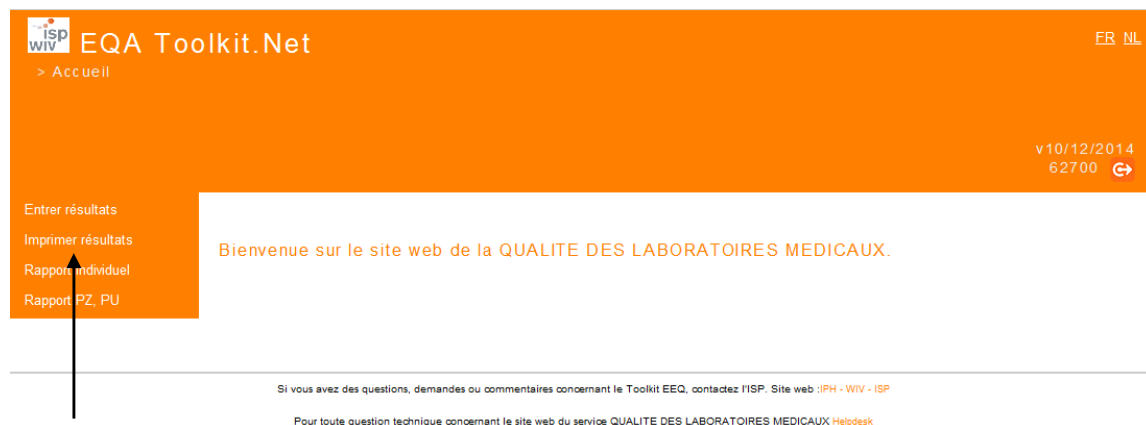


Fig. 49

Ensuite vous introduisez de nouveau le groupe, l'enquête et les échantillons et vous cliquez sur  (« Soumettre »). A la page suivante vous pouvez consulter tous les résultats que vous avez introduits (Fig. 50).

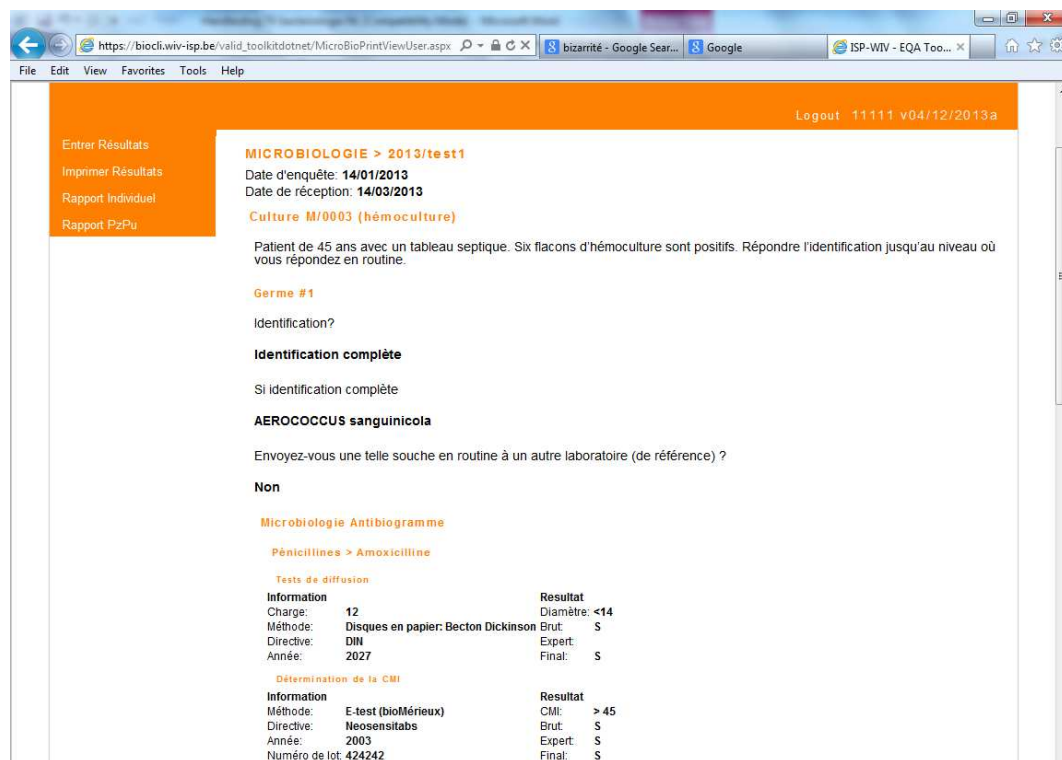


Fig. 50

En bas de page vous avez la possibilité de créer un PDF  ("Exporter en PDF") que vous pouvez sauvegarder et/ou imprimer.

Si vous souhaitez modifier un résultat, il vous est possible de retourner à la page d'introduction de résultats (Fig. 51). Il vous est toujours possible de modifier vos résultats tant que l'enquête n'est pas clôturée.



(« Aller à l'introduction des résultats »)

Fig. 51

Si quelque chose n'était pas clair ou en cas de difficulté, n'hésitez pas à nous contacter via EQAtoolkit@wiv-isp.be.

Cordialement,

Kris Vernelen
Coordinateur EKE MSP
Qualité des Laboratoires Médicaux
ISP